

## „Badanie heterogenności próbek biologicznych z wykorzystaniem rozwiązań do transkryptomiki single cell oraz transkryptomiki przestrzennej firmy 10xGenomics”.

Prowadząca: dr Agnieszka Ciesielska

**18.01.2022r. godzina 10:00**

**Sala Wykładowa 1.03**

**Wydział Biotechnologii**

**Ul. Joliot-Curie 14a, Wrocław**

Rozwiązanie Chromium Single Cell Gene Expression firmy 10x Genomics umożliwia:

- Pełną charakterystykę i **profilowanie ekspresji genów** w tysiącach komórek jednocześnie.
- Uzyskanie informacji o transkryptomie oraz o **występowaniu białek powierzchniowych** dla każdej analizowanej komórki.
- **Profilowanie immunologiczne**- Równoległa analiza tysięcy limfocytów w celu zdefiniowania genetycznego zróżnicowania limfocytów odpowiedzialnych za specyficzną i skuteczną odpowiedź układu odpornościowego. Możliwość sekwencjonowania regionów VDJ z rozdzielczością pojedynczej komórki.
- **Badanie obszarów chromatyny aktywnej transkrypcyjnie** z rozdzielczością pojedynczej komórki z jednoczesną informacją o transkryptomie

**Technologia Visium Spatial Gene Expression** umożliwia połączenie analizy morfologicznej (np. barwienia preparatów hematoksyliną i eozyną lub immunofluorescencją) z transkryptomiką. Uzyskane wyniki pozwalają na lepsze zrozumienie mechanizmów patogenezы, prawidłowego rozwoju i badań translacyjnych.

### **Organizatorzy:**

**prof. dr hab. Ewa Marcinkowska, Zakład Biotechnologii Białek**